MINISTÈRE
DE L'AGRICULTURE
DE L'AGRO-ALIMENTAIRE
ET DE LA SOUVERAINETÉ
ALIMENTAIRE
Liberté
Égalité
Fraternité



Situation Sanitaire – IAHP

Évolution depuis le 13 novembre



Le niveau de risque IAHP est passé de « modéré » à « élevé » le **20/11/2026**.

Foyers IAHP pour les oiseaux détenus (« Poultry » et « Non Poultry »)

Au total, **8 foyers** d'influenza aviaire hautement pathogène (IAHP) sont recensés à ce jour, dont **4** dans le secteur des oiseaux captifs et **4** dans le secteur des volailles.

Deux nouveaux foyers d'IAHP ont été confirmés depuis notre dernier point de situation du 13 novembre, dont un dans un nouveau département :

- **Le premier foyer** a été confirmé le 17 novembre. Il concerne une basse-cour détenant des appelants, située sur la commune de Sandouville, dans le département de la Seine-Maritime (76), à 12 km au sud du premier foyer enregistré dans le département (confirmé le 09/11). La suspicion a fait suite à l'apparition de signes cliniques chez les animaux.
- **Le second foyer** concerne un élevage de 4400 poulets de chair situé sur la commune de Thiembronne, dans le département du Pas-de-Calais (62). La suspicion a fait suite à une mortalité inhabituelle chez les animaux. Le foyer a été confirmé le 20 novembre.

Les détails concernant ces foyers sont présentés dans les **tableaux 1 et 2**.

Point sur la phylogénie des virus IAHP détectés depuis le début de la saison en cours (LNR)

L'analyse phylogénétique des génomes des virus détectés depuis le mois d'octobre en France a permis de montrer que les virus identifiés dans les foyers captifs des Landes (40), de la Seine-Maritime (76) et de la Gironde (33) appartiennent tous au **génotype FR20**. Ce même génotype a également été mis en évidence chez des oiseaux sauvages testés positifs à l'IAHP dans le département du Gard (30), en Camargue.

Pour rappel, le génotype FR20 est le génotype dominant de la saison 2025-2026, aussi bien chez les oiseaux sauvages que dans les élevages avicoles. Il se subdivise en deux groupes distincts. Le premier, regroupe des séquences génétiques identifiées chez des oiseaux sauvages et domestiques de la péninsule Ibérique. Le second sous-groupe comprend notamment les virus associés à l'épisode de surmortalité observé chez les grues cendrées au cours de la saison 2025-2026.

Tous virus FR20 détectés en France au cours de la saison actuelle appartiennent à ce second sous-groupe et sont regroupés au sein d'un unique groupe phylogénétique. D'après les données actuellement disponibles, ce groupe inclut également des séquences de virus européens détectés en octobre et novembre 2026 aux Pays-Bas, Lettonie et Norvège chez des oiseaux sauvages et d'élevage. Ces résultats suggèrent que les virus H5N1 HP récemment détectés en France sont très probablement associés à la migration hivernale d'oiseaux sauvages.

Pour mémoire, les données de séquençage et l'analyse phylogénétique des virus détectés dans les foyers en élevage du département du Maine-et-Loire (49), entre août et septembre, ont permis de mettre en évidence un nouveau génotype du virus IAHP de sous-type H5 : **FR24.** Ce génotype, identifié pour la première fois, résulte d'un réassortiment génétique entre un virus H5HP de génotype FR20 et un autre virus influenza aviaire.

Tableau 1 : foyers IAHP captifs (Non poultry) enregistrés depuis le 01/08/2026

Dép	Statut vaccinal	ZRP/ZRD	Commune	Espèces	Effectif	Date de confirmation	Souche	Génotype
76	Non vacciné	Non	Saint-Sauveur-d'Émalleville	Pluri-espèce avec palmipède	170	09/11/2026	H5N1	FR20
33	Non vacciné	ZRP	Lansac	Pluri-espèce avec palmipède	168	06/11/2026		FR20
40	Non vacciné	Non	Aureilhan	Palmipède	75	09/11/2026		FR20
76	Non vacciné	ZRP	Sandouville	Palmipède	49	17/11/2026		FR20

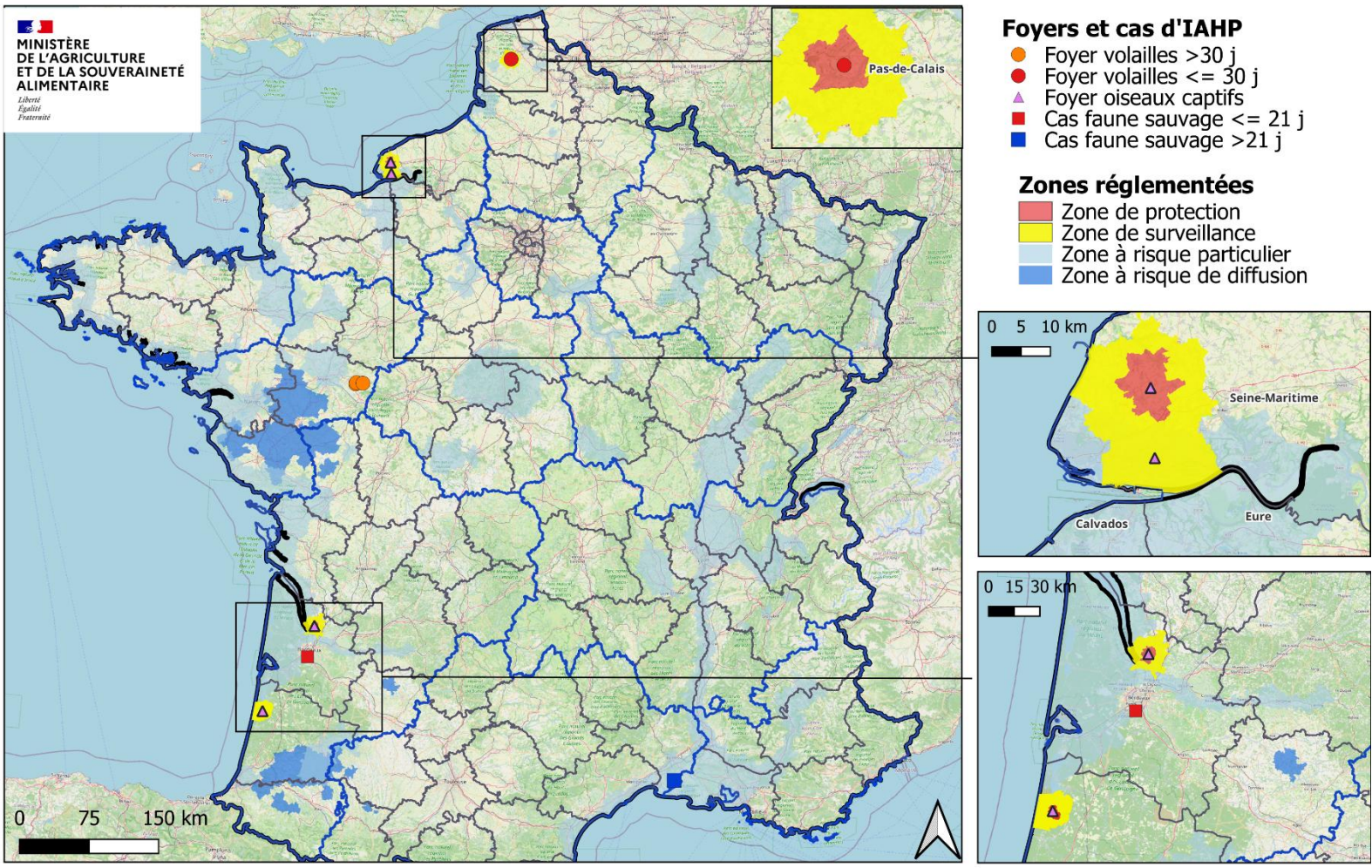
Tableau 2 : foyers IAHP volaille (poultry) enregistrés depuis le 01/08/2026

Dept	Origine de la suspicion	Statut vaccinal	Commune	Espèce	Type de Production	Date de confirmation	Souche	Génotype
49	Surveillance Evènementielle	Vacciné 1 dose	Longué-Jumelles	Canard	Pré-gavage	31/08/2026	H5N1	FR24
49	Surveillance Evènementielle	Vacciné 2 doses	La Lande-Chasles	Canard	Gavage	07/09/2026	H5N1	FR24
49	Surveillance Evènementielle	Non vacciné	Mouliherne	Canard	Futurs reproducteurs	07/09/2026	H5N1	FR24
62	Surveillance Evènementielle	Non vacciné	Thiembronne	Gallus	Engraissement	20/11/2026	H5NX*	

**Le sous-type du virus n'a pas encore été identifié.*

Foyers d'IAHP et zones réglementées suite aux foyers détectés en France au 27/11/2026

Foyers IAHP et zones réglementées en France à la date du 26/11/2026



Date de l'édition: 26/11/2026

Tableau 3 : Date prévisionnelle de levée des zones règlementées

Département du foyer	Commune du foyer	Département(s) concerné(s) par la ZR	Date prévisionnelle de levée de la ZR
76	Saint-Sauveur-d'Émalleville	76	10/12/2026
33	Lansac	33	08/12/2026
40	Aureilhan	40	10/12/2026
62	Thiembronne	62	22/12/2026

Pour la faune sauvage libre (« Wild ») :

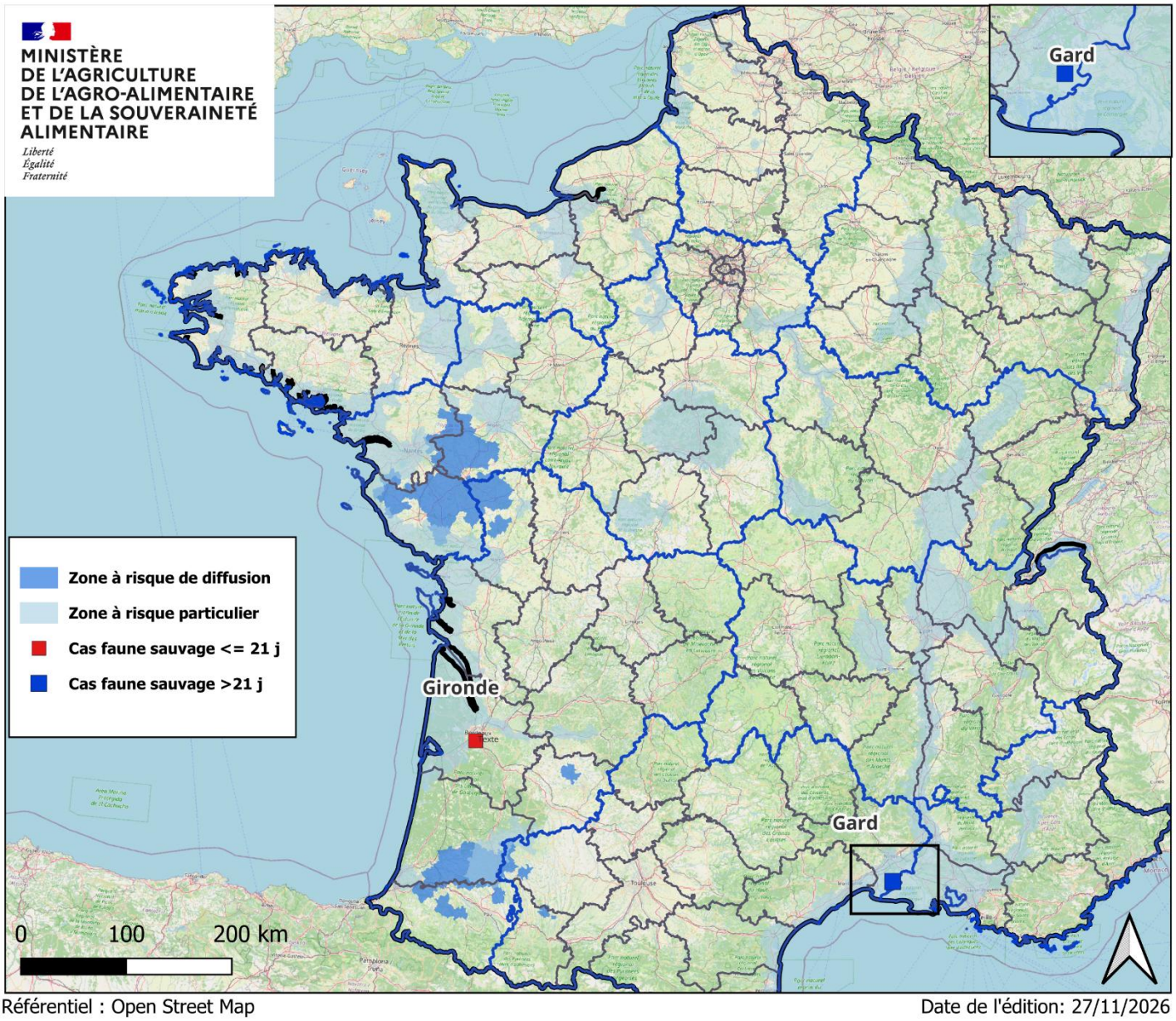
Depuis notre dernier point de situation sanitaire, un nouveau cas d'IAHP en faune sauvage a été détecté dans le département de la Gironde (33). Il concerne une oie collectée le 24 novembre sur la commune de Gradignan.

Tableau 4 : Cas d'IAHP en faune sauvage enregistrés depuis le 01/08/2026

Dép	Commune	Espèce	Date découverte	Date confirmation	Souche	Génotype
30	Saint-Gilles	Canal colvert et sarcelle d'hiver	28/10/26	6/11/26	H5N1	FR20
33	Gradignan	Oie	24/11/26	24/11/26	H5NX*	_

**Le sous-type du virus n'a pas encore été identifié.*

Cas d' IAHP faune sauvage en France depuis le 01/08/2026



Référentiel : Open Street Map

Date de l'édition: 27/11/2026