



**MINISTÈRE
DE L'AGRICULTURE,
DE L'AGRO-ALIMENTAIRE
ET DE LA SOUVERAINETÉ
ALIMENTAIRE**

*Liberté
Égalité
Fraternité*

Influenza aviaire hautement pathogène

Situation en début de saison 2026-2027

Webinaire des Parties prenantes
18 septembre 2026
DGAL

ORDRE DU JOUR

1. Situation IAHP en France et en Europe en élevage
2. Situation IAHP en France et en Europe, mesures de surveillance de l'avifaune : OFB
3. Analyses génomiques (résultats, en cours, enseignements) : ANSES-LNR
4. Vaccination grippe hivernale

Discussions après chaque point

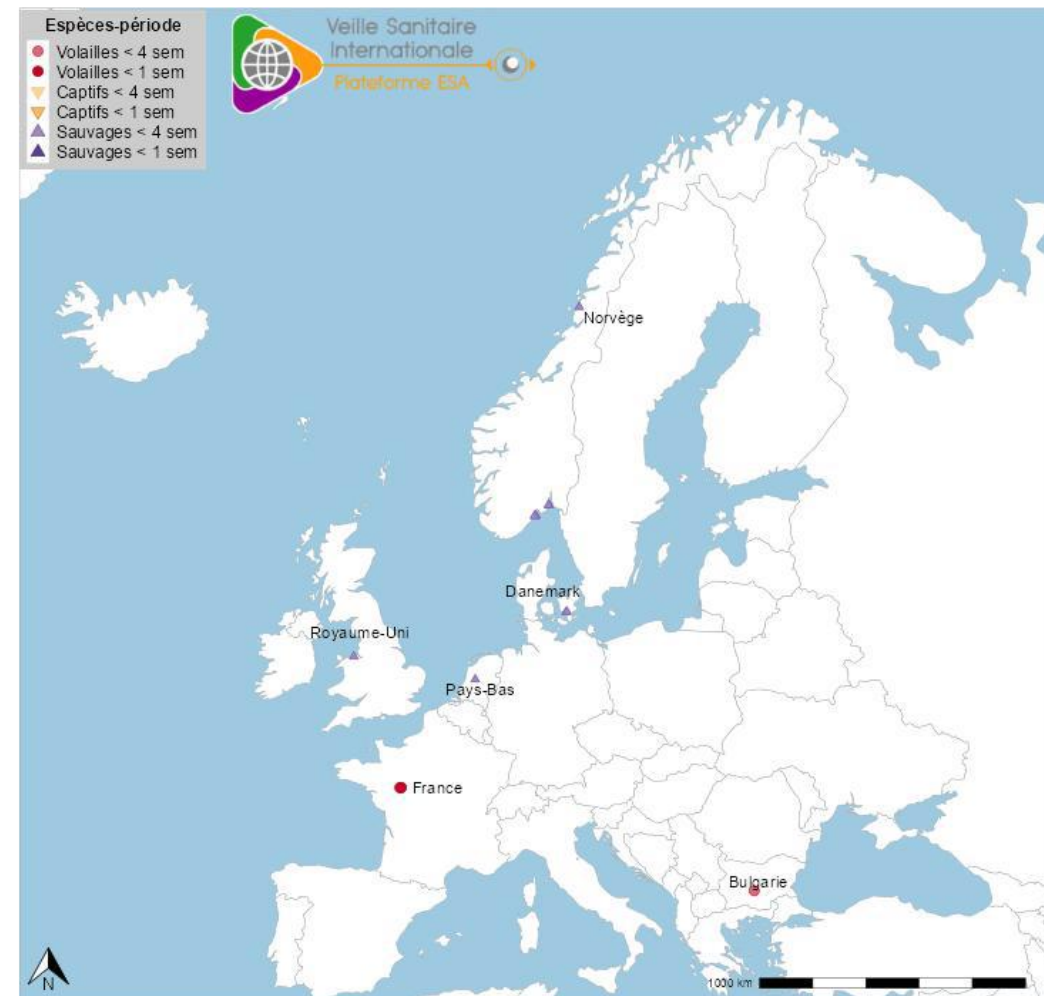
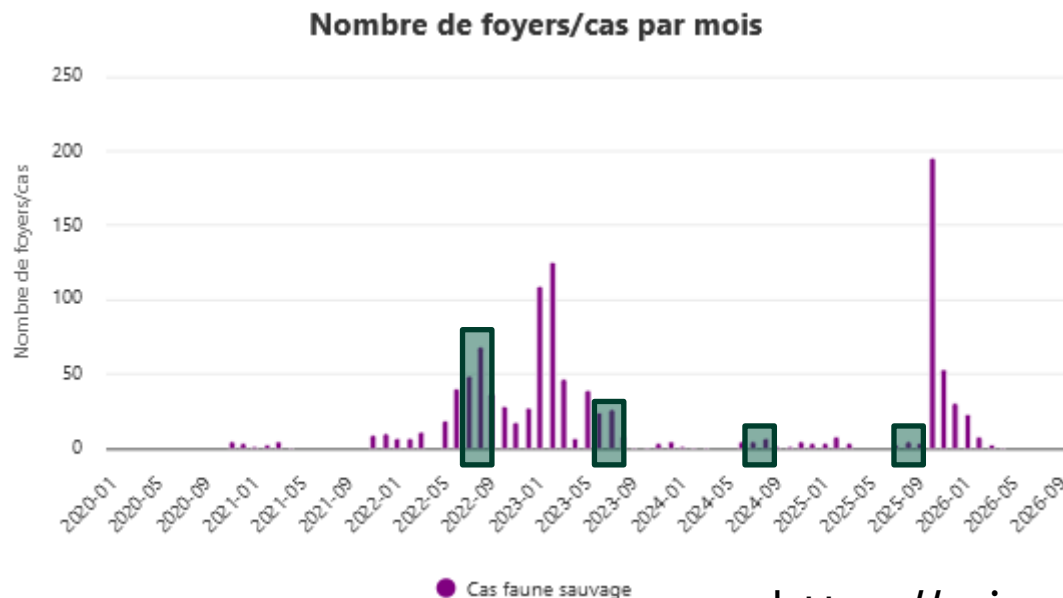
ORDRE DU JOUR

1. Situation IAHP en France et en Europe en élevage

Situation IAHP en Europe au 17/09/2026

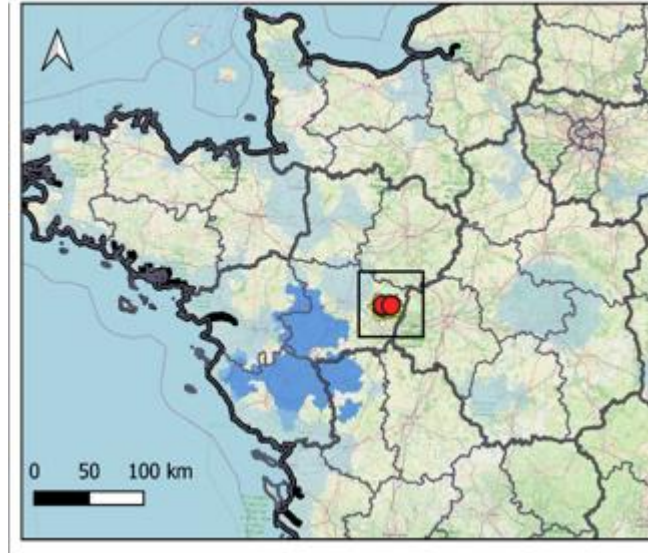
- **Europe** : 9 pays ont détecté des cas d'IAHP depuis le 01/08/2026 (début de la saison 2026-2027)
 - 18 cas sauvages dont 3 cas en Norvège sur des oies cendrées cette semaine
 - 5 foyers volailles (Bulgarie, France, Suède)
- Migrations descendantes pas encore commencées

Evolution depuis 01/01/2020 en France



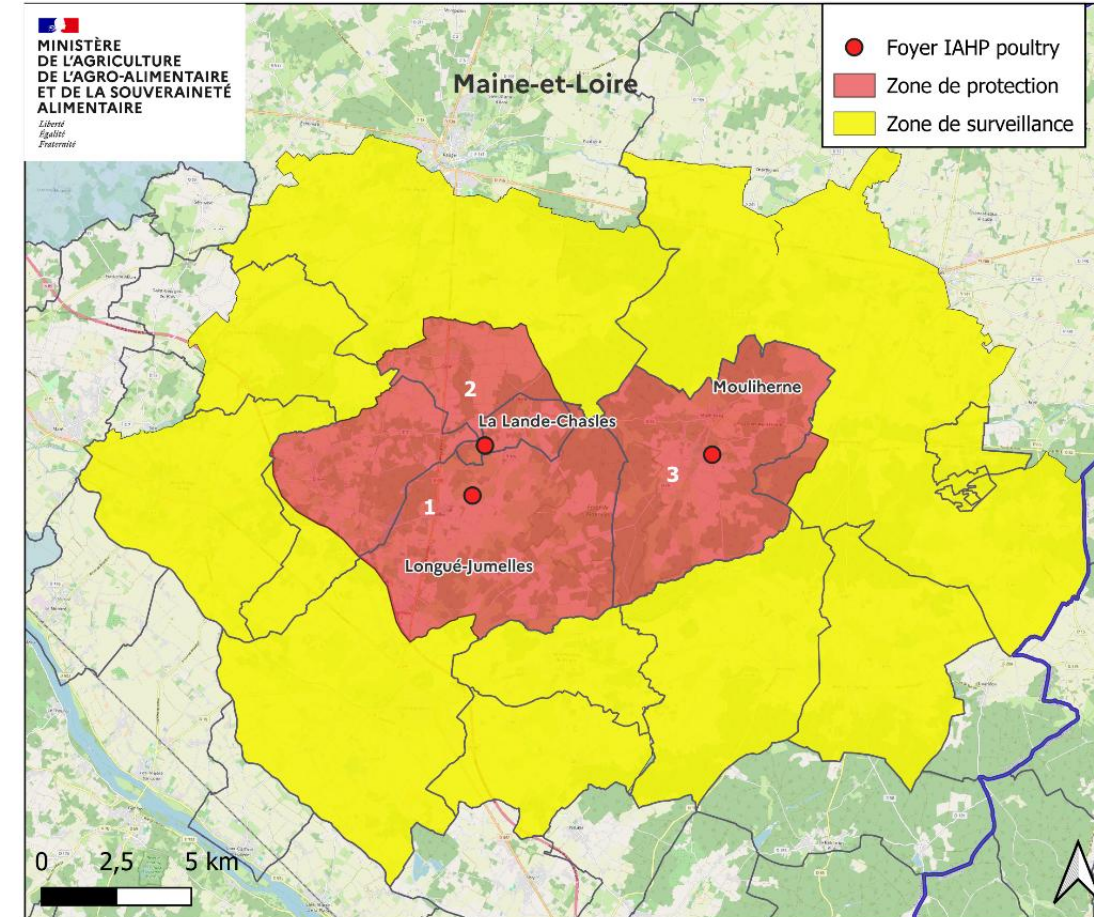
Foyers – saison 2026-2027

3 foyers dans le
Maine et Loire



	Origine de la suspicion	Statut vaccinal	Commune	Espèce	Type de Production	Date de confirmation
1	Surveillance Évènementielle	Vacciné 1 dose	Longué-Jumelles	Canard	Pré-gavage	2026-08-31
2	Surveillance Évènementielle	Vacciné 2 doses	La Lande-Chasles	Canard	Gavage	2026-09-07
3	Surveillance Évènementielle	Non vacciné	Mouliherne	Canard	Futurs reproducteurs	2026-09-07

Localisation des foyers d'IAHP par ordre de confirmation

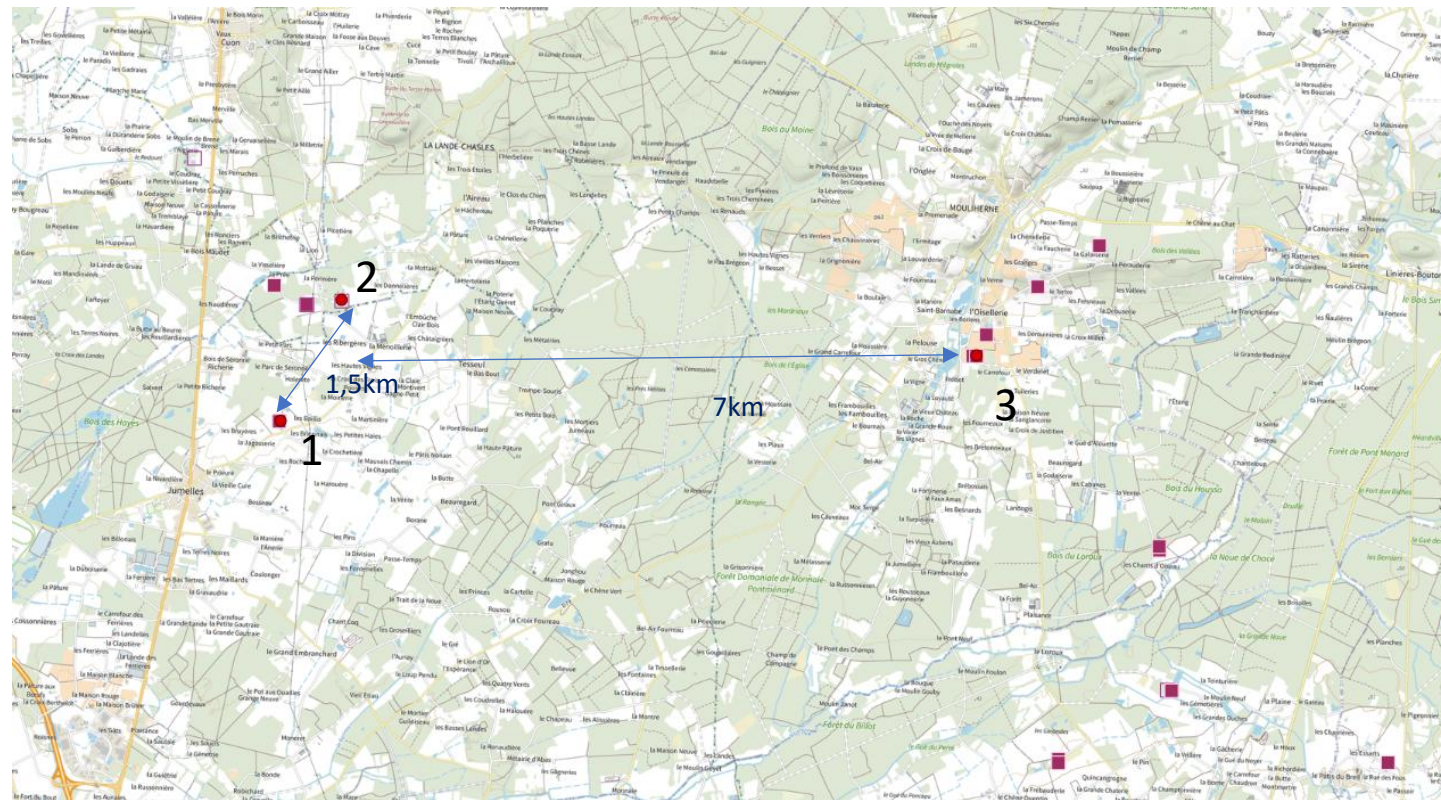


Date de l'édition: 10/09/2026

Dernier foyer 2025-2026 : 27/05/2026 (Dordogne)

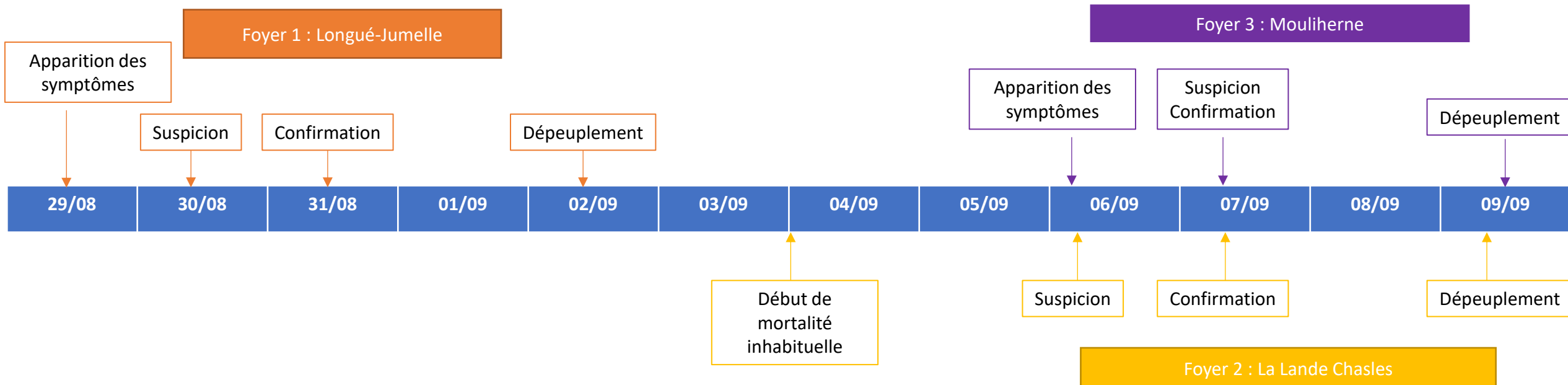
Éléments de situation du cluster

- Zone à faible densité d'élevages
- Hors ZRD et ZRP
- Faible distance entre foyers 1 et 2
- Zone boisée + nombreux plans ou cours d'eau



Investigations menées

- Pas d'autres élevages en lien identifiés faisant l'objet de mesure
- Des liens possibles entre les élevages 1 et 2 : proximité des élevages – transfert passif (personne/véhicule)
- Des pistes exclues pour des liens avec le foyer 3 et pas d'hypothèse forte à ce jour
- Des éléments génomiques concordants : 1 seul primaire



Discussions/Echanges sur le point 1

ORDRE DU JOUR

2. Situation IAHP en France et en Europe, surveillance de l'avifaune : OFB

IAHP Situation en Europe

Focus sur l'avifaune Sauvage



Pays	Compartiment	Date de première suspicion	Date de la dernière détection déclarée**	Nombre de déclaration par compartiment pour la saison 2026-2027	H5N1	Incidence mensuelle
Allemagne	Sauvages	06/08/2026	06/08/2026	1	1	0
Bulgarie	Volailles	31/08/2026	31/08/2026	1	1	1
Danemark	Sauvages	17/08/2026	24/08/2026	2	2	2
France	Volailles	30/08/2026	07/09/2026	3	3	3
Norvège	Sauvages	03/08/2026	01/09/2026	10	10	6
Pays-Bas	Sauvages	06/08/2026	20/08/2026	3	3	1
Portugal	Sauvages	10/08/2026	10/08/2026	1	1	0
Royaume-Uni*	Sauvages	17/08/2026	17/08/2026	1	1	1
Suède	Volailles	14/08/2026	14/08/2026	1	1	0
Europe	Sauvages			18	18	10
	Volailles			5	5	4

Seuls les foyers et cas confirmés IAHP sous-type H5 sont comptabilisés.

source : Plateforme d'épidémiosurveillance Animale (bulletin du 15/09/2026)

Etat des lieux de l'IAHP en faune sauvage

Actuellement : IAHP plutôt calme en Europe, et en France (aucun cas HP). Des oiseaux sauvages, dont canards colverts récemment trouvés morts dans le département du Maine-et-Loire y compris certains proches des foyers en élevage, ont été analysés par le réseau SAGIR : résultats tous négatifs

Mais :

- sur le dernier mois passé : cas IAHP chez des pays voisins proches sur des cygnes et des rapaces (Danemark, Pays-Bas et Allemagne) ce qui signe, quand ces espèces d'oiseaux sauvages sont impactées, que le virus circule de manière assez importante en avifaune sauvage.
- des détections plus nombreuses que d'habitude de M POS (voir H5 ou H7) non HP, probablement que les mortalités importantes (canicules, botulisme ++, ...) révèlent une circulation d'IA non HP non létale mais habituelle.

=> Vigilance et surveillance restent nécessaires,

Discussions/Echanges sur le point 2

ORDRE DU JOUR

3. Analyses génomiques (résultats, en cours, enseignements) :
ANSES-LNR

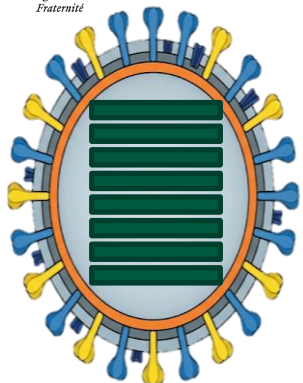


anses

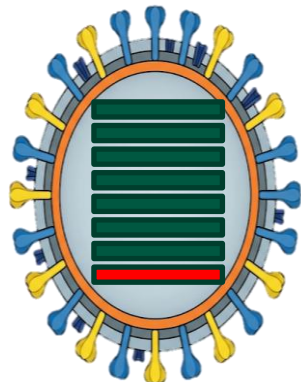
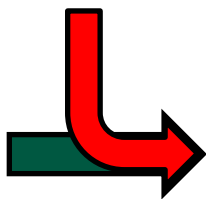
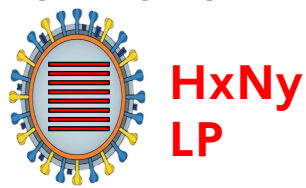
Analyses de données de séquences virales des foyers H5HP du département 49 - 18/09/2026 -

Laboratoire National de Référence (LNR) pour l'influenza aviaire

Identification d'un nouveau génotype (FR24)

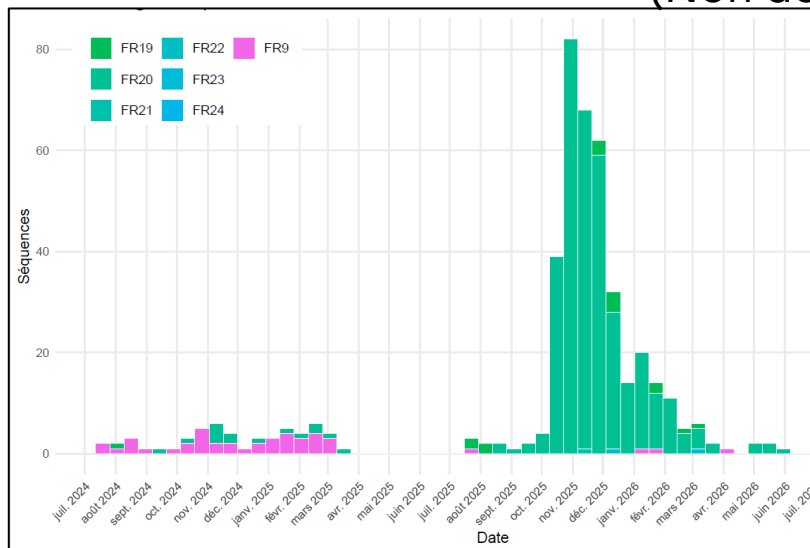


**Génotype
DI (FR20)**



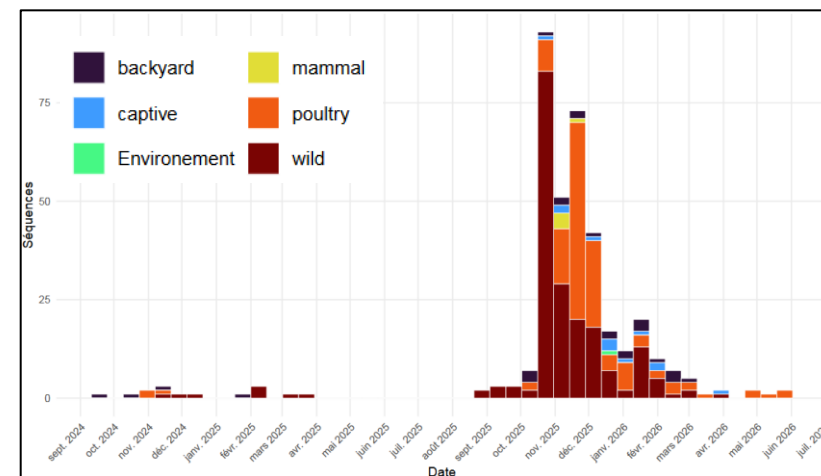
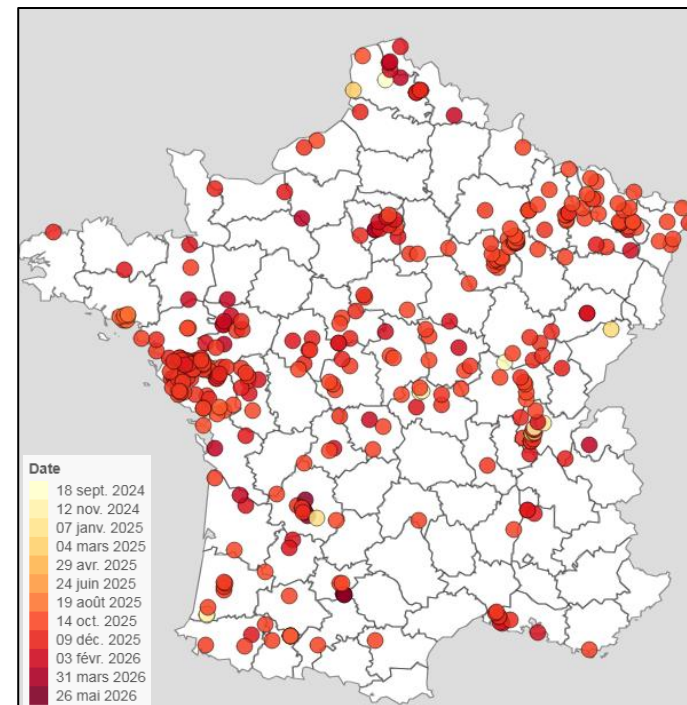
**Génotype
(FR24)**

(Non déjà décrit en Europe)



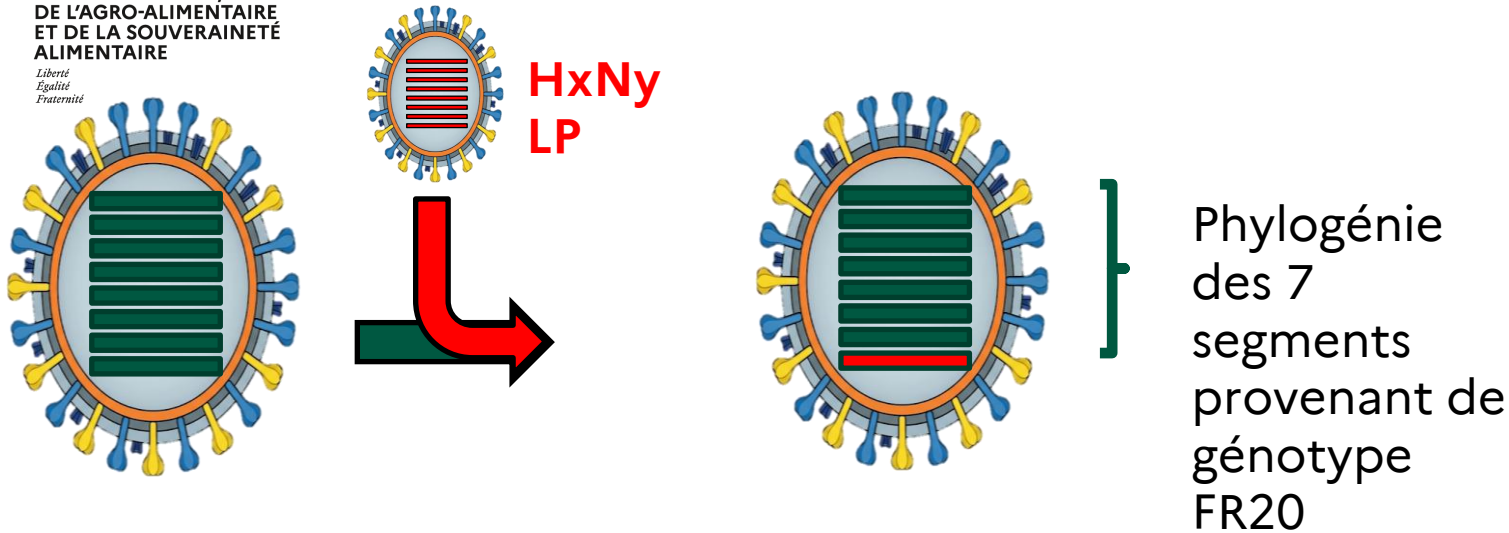
Génotype FR20 très majoritaire sur la saison 2025-2026

Répartition géographique du génotype FR20



**Génotype FR20 détecté dans la faune sauvage
(Anatidae + grues cendrées) et en élevage**

Identification d'un nouveau génotype (FR24)



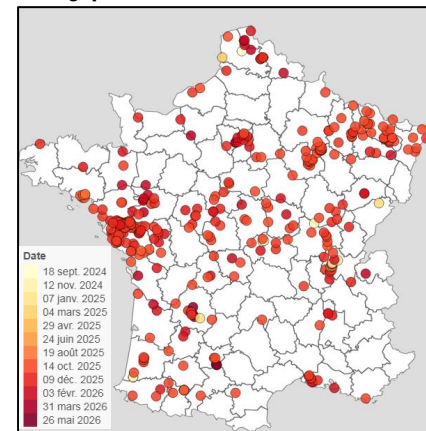
Quelle est l'origine probable des segments génomiques provenant du génotype FR20 ()

- Comparaison avec tous les virus H5HP Européens récents disponibles (date de détection > Avril 2026)
- Comparaison avec tous les virus H5HP Européens les plus proches au niveau génétique (segment HA)
- Comparaison avec tous les virus H5HP de génotype FR20 Français.

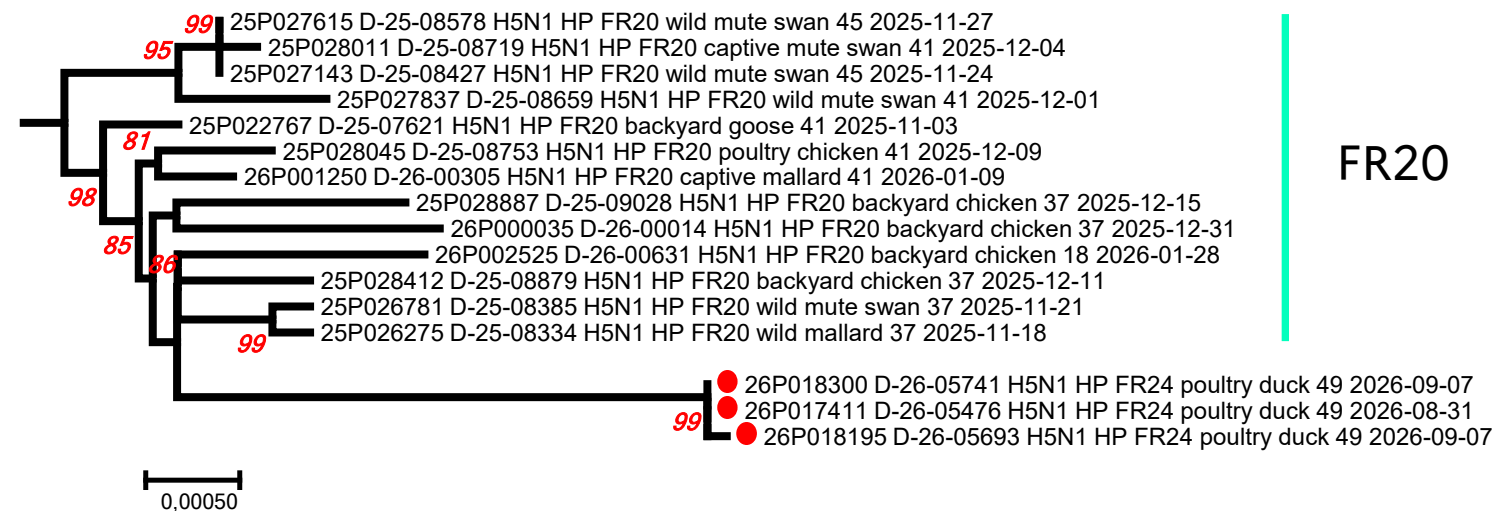
=> Comparaison avec 327 virus de France et 435 d'Europe

Analyse phylogénétique et géographique

Localisation de tous les H5HP de
génotype FR20 en France



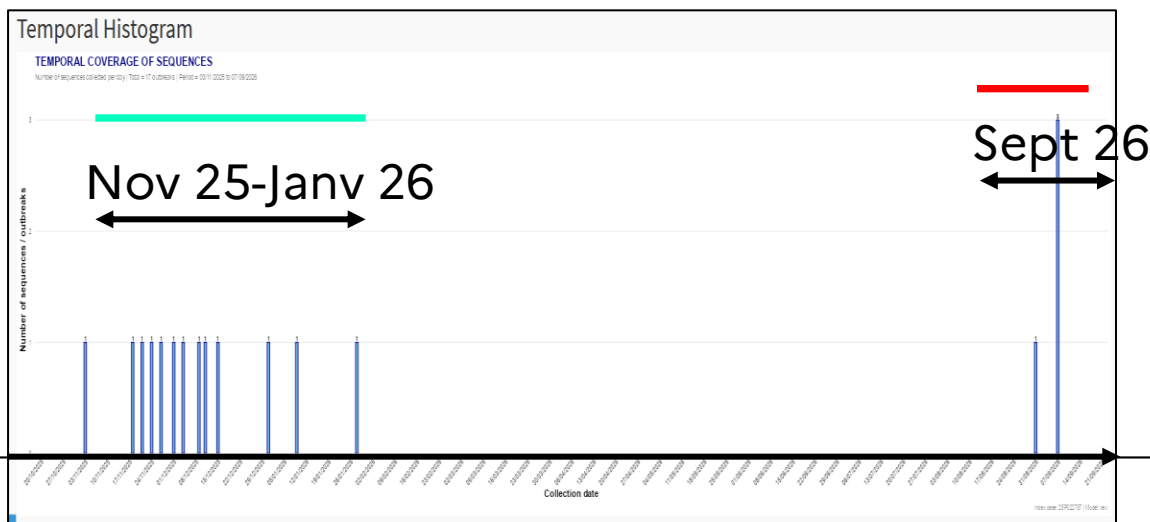
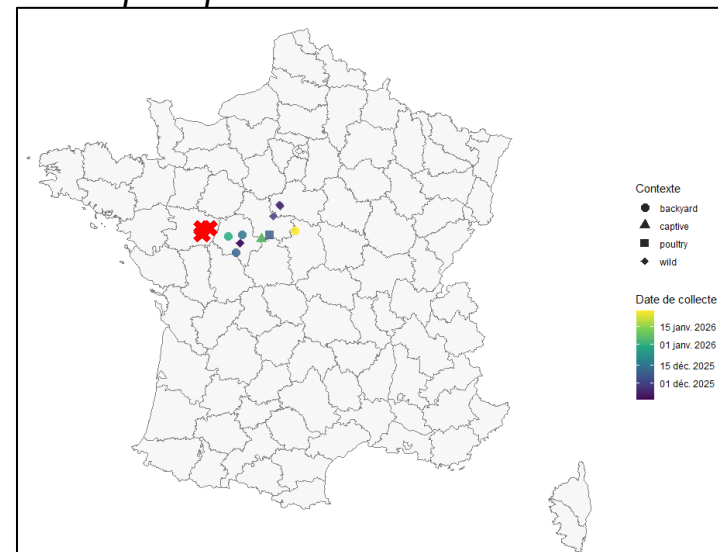
Basées sur les 7 segments concaténés



FR20

FR24

Localisation des les H5HP de génotype FR20 les
plus proche des virus FR24



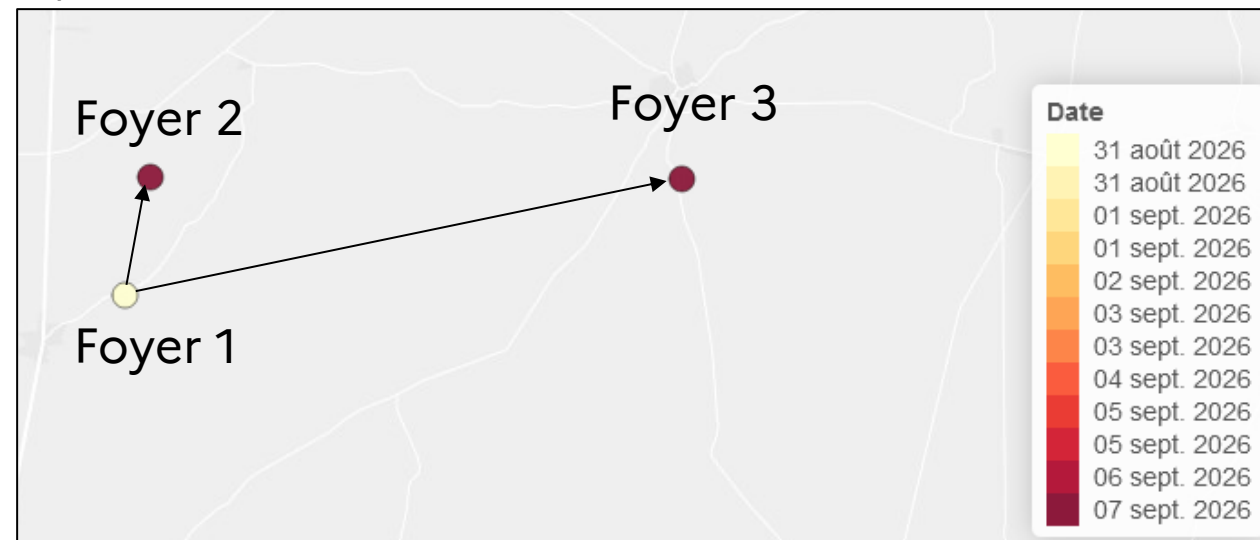
Très probable circulation inapparente du
virus H5HP en France dans la faune sauvage
entre Janvier et Septembre 2026

Analyse de réseau de transmission (Génotype FR24)

Distances génétiques observées (Génome complet 12406 nucléotides)

Distance génétique en nucléotides sur le génome complet (12406 nucléotides)	Foyer 1	Foyer 2
Foyer 2	1 nt	
Foyer 3	1 nt	2 nt

Schéma de transmission inter-élevage **probable** (à partir des données disponibles)



Difficile de déterminer le réseau de transmission car uniquement 3 foyers



Les proximités génétiques des séquences des virus suggèrent fortement

- une seule introduction en élevage
- une diffusion inter-élevages

Conclusions ANSES-LNR

- Nouveau Génotype identifié en France et en Europe (FR24)
 - Très probablement lié à une circulation de H5HP à bas bruit dans la faune sauvage régionale depuis l'hiver 2025-2026.
 - Circulation inapparente du virus en France
 - Très probable transmission inter-élevages entre les foyers identifiés de génotype FR24 (une seule introduction primaire)
-

Discussions/Echanges sur le point 3

ORDRE DU JOUR

4. Vaccination grippe hivernale

Merci pour votre attention

Pour en savoir plus sur l'IAHP :

- site du ministère de l'agriculture : <https://agriculture.gouv.fr/tout-ce-qu'il-faut-savoir-sur-l'influenza-aviaire>

Pour en savoir plus sur la situation sanitaire internationale :

- veille hebdomadaire zoosanitaire de la plateforme d'épidémiosurveillance animale : <https://plateforme-esa.fr/fr>

Pour tous : « *La biosécurité, tous concernés.*

Par tous, partout et tout le temps